



From Data Science to Machine Learning

De l'analyse de données à l'apprentissage automatique

Jean-Yves Ramel

ramel@univ-tours.fr



Laboratoire d'Informatique Fondamentale
et Appliquée de Tours



2 – Les principaux modèles

1er Exemple : prédiction de l'infarctus du myocarde

On sait que la probabilité de développer un infarctus du myocarde (IM) augmente avec l'âge et avec le taux de cholestérol LDL.

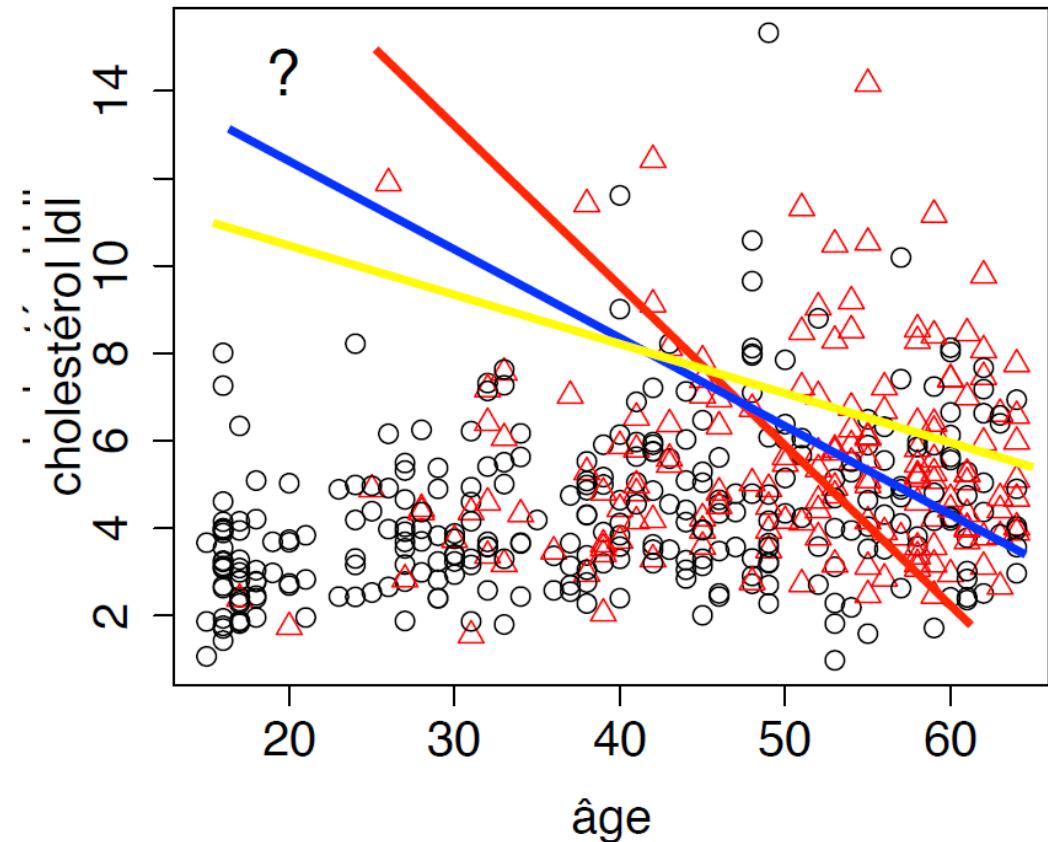
- Comment développer un programme qui prédise le risque d'IM à partir de ces deux variables ?
- **Approche de type « système expert » :**
 - Modéliser la connaissance d'un médecin par des règles de la forme :
 - SI âge > 60 ET ldl > 10 ALORS risque élevé
 - SI 50 < âge < 60 ET 8 < ldl < 10 ALORS risque moyen
 - ...
- Approche peu fiable et difficile à mettre en oeuvre, d'autant plus que le
- Nombre de variables explicatives est important.

1er Exemple : prédiction de l'infarctus du myocarde

Approche de type ML → Premier modèle : Régression logistique

Préparation des données

- Constituer une base d'apprentissage
- Comment distinguer / séparer au mieux les deux classes ?
- Trouver la frontière
- Modèle linéaire : la droite séparatrice optimale ?



1er Exemple : prédiction de l'infarctus du myocarde

Approche de type ML → Premier modèle : Régression logistique

- On ne peut pas prédire à coup sûr l'occurrence d'un IM à partir de l'âge et du taux de cholestérol, mais on peut chercher à estimer sa probabilité

notée $p(x) = \mathbb{P}(\underbrace{\text{IM}}_{y=1} | \underbrace{\text{âge, Idl}}_x)$

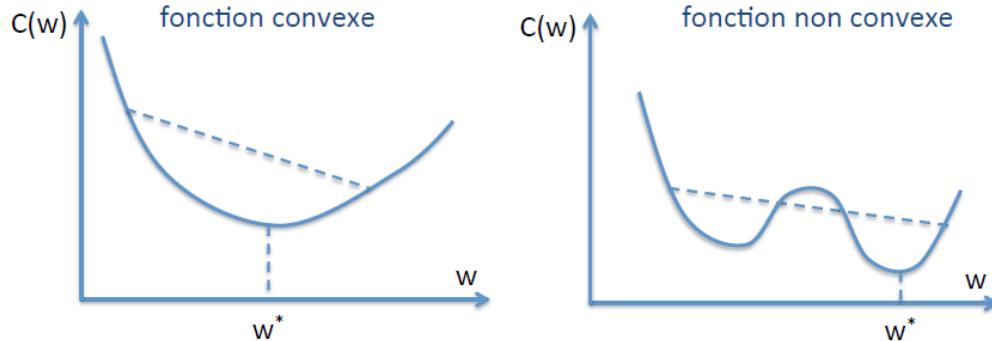
- Modèle linéaire, on pose : $\ln \frac{p(x)}{1 - p(x)} = w_0 + w_1 \times \text{âge} + w_2 \times \text{Idl}$
- Formulation équivalente : $p(x) = \frac{1}{1 + \exp(-w_0 - w_1 \times \text{âge} - w_2 \times \text{Idl})}$
- Problème : comment déterminer les coefficients w_0 , w_1 et w_2 ?
 - Si $y = 1$, on veut avoir $p(x)$ aussi grand que possible.
On définit l'erreur dans ce cas par - $\ln(p(x))$
 - Symétriquement, si $y = 0$, on veut avoir $p(x)$ aussi petit que possible.
L'erreur est alors - $\ln(1 - p(x))$
 - Formule générale : $\text{erreur} = -y \ln p(x) - (1 - y) \ln(1 - p(x))$
 - Erreur totale pour un ensemble d'apprentissage $\{(x_1; y_1), \dots, (x_n; y_n)\}$ mesurée par l'**entropie-croisée** : $C(\underbrace{w_0, w_1, w_2}_w) = \sum_{i=1}^n \text{erreur}_i$

1er Exemple : prédiction de l'infarctus du myocarde

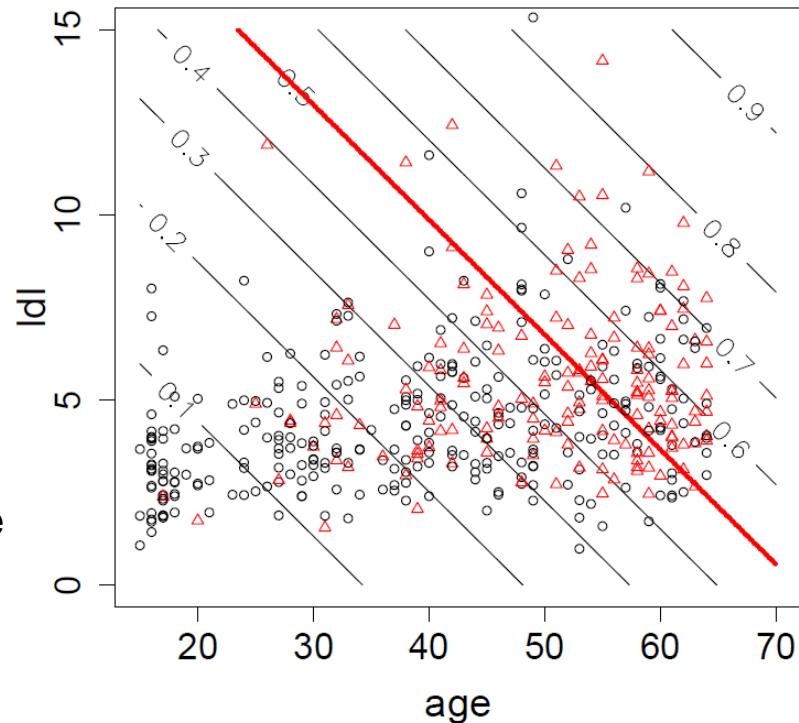
Approche de type ML → Premier modèle : Régression logistique

Apprentissage

- Une fois définie une fonction d'erreur, le problème de l'apprentissage devient un problème d'optimisation : rechercher le vecteur de coefficient w^* qui minimise l'erreur.
- Dans le cas de la régression logistique, ce vecteur est unique car la fonction d'erreur est convexe.



- Le vecteur solution w^* peut être obtenu par un algorithme itératif.



1er Exemple : prédiction de l'infarctus du myocarde

Approche de type ML → Premier modèle : Régression logistique

Exploitation

- Une fois déterminé le vecteur de coefficient w optimal, on dispose d'un **programme classifieur permettant de classer de nouveaux individus.**

Evaluation des performances

- Pour estimer la probabilité d'erreur du classifieur, il faut disposer d'un ensemble de test indépendant (**base de test**).
- On construit alors la **matrice de confusion** pour cet ensemble
- Avec 100 exemples

		Vraie classe	
		Positif	Négatif
Prediction	Positif	14	10
	Négatif	21	55

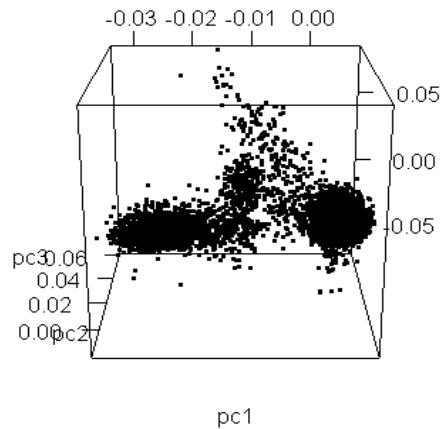
- Taux d'erreur = $(10+21)/100=31\%$.

2 – Les Principaux modèles

RAPPEL → Selon les données disponibles et les objectifs

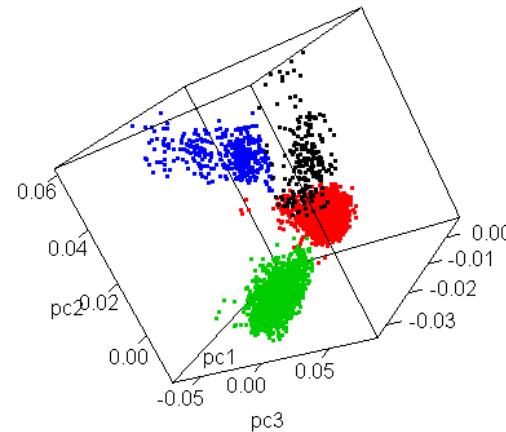
Apprentissage non supervisé

$$\begin{aligned}\text{Voxel}_1 &= [F_1 \ F_2 \ F_3 \ \dots] \\ \text{Voxel}_2 &= [F_1 \ F_2 \ F_3 \ \dots] \\ \text{Voxel}_3 &= [F_1 \ F_2 \ F_3 \ \dots] \\ \text{Voxel}_4 &= [F_1 \ F_2 \ F_3 \ \dots] \\ \text{Voxel}_5 &= [F_1 \ F_2 \ F_3 \ \dots] \\ \dots \\ G &= [F_1 \ F_2 \ F_3 \ \dots]\end{aligned}$$



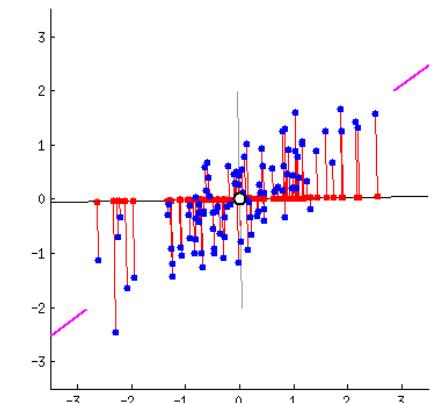
Apprentissage supervisé

$$\begin{aligned}\text{Voxel}_1 &= [F_1 \ F_2 \ F_3 \ \dots] \quad [\text{Tumor}] \\ \text{Voxel}_2 &= [F_1 \ F_2 \ F_3 \ \dots] \quad [\text{Normal}] \\ \text{Voxel}_3 &= [F_1 \ F_2 \ F_3 \ \dots] \quad [\text{Tumor}] \\ \text{Voxel}_4 &= [F_1 \ F_2 \ F_3 \ \dots] \quad [\text{Tumor}] \\ \text{Voxel}_5 &= [F_1 \ F_2 \ F_3 \ \dots] \quad [\text{Normal}] \\ G_G &= [F_1 \ F_2 \ F_3 \ \dots] \\ G_R &= [F_1 \ F_2 \ F_3 \ \dots]\end{aligned} \quad \begin{matrix} \uparrow \\ \text{Label} \end{matrix}$$



Régression

$$\begin{aligned}\text{Voxel}_1 &= [F_1] \\ \text{Voxel}_2 &= [F_1] \\ \text{Voxel}_3 &= [F_1] \\ \text{Voxel}_4 &= [F_1] \\ \text{Voxel}_5 &= [F_1] \\ \dots \\ G &= [F_1]\end{aligned}$$

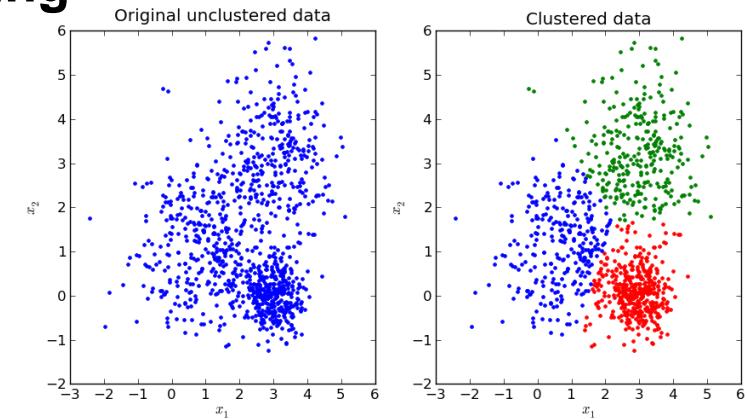


2 – Les Principaux modèles

Unsupervised classification : k-means clustering

- No tagged data available \Rightarrow learning impossible
- We look for k classes starting from k centers (G_i)

Objectif : minimising the intra-class variance



Algorithm:

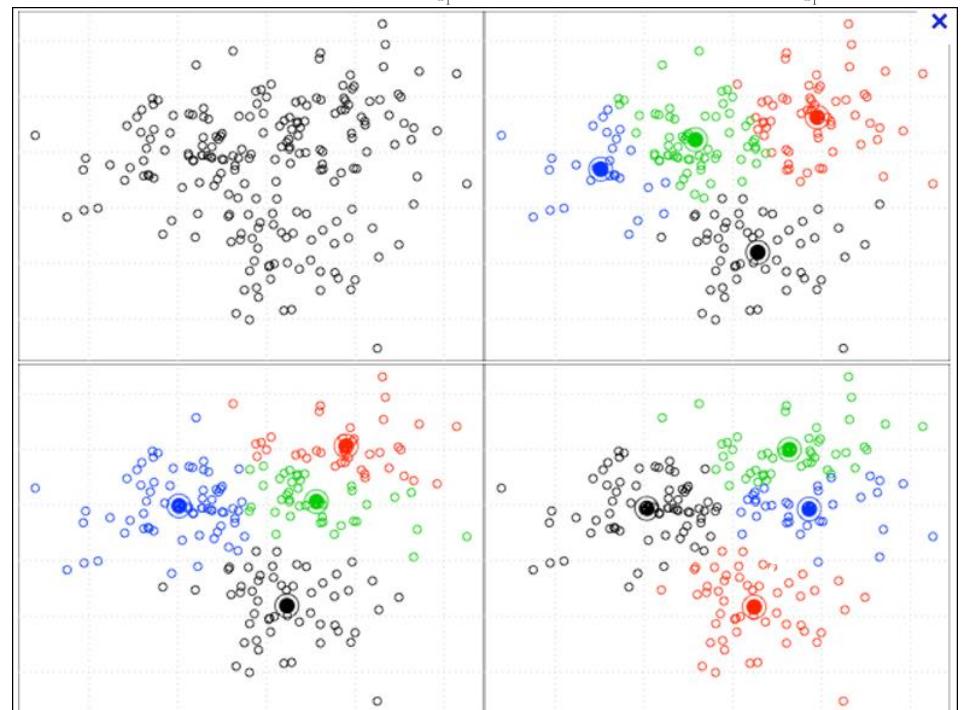
1 - Choose K centers randomly

2 – Repeat :

a/ Allocate each x to the closest center G_i

b/ Compute the new G_i until stabilization

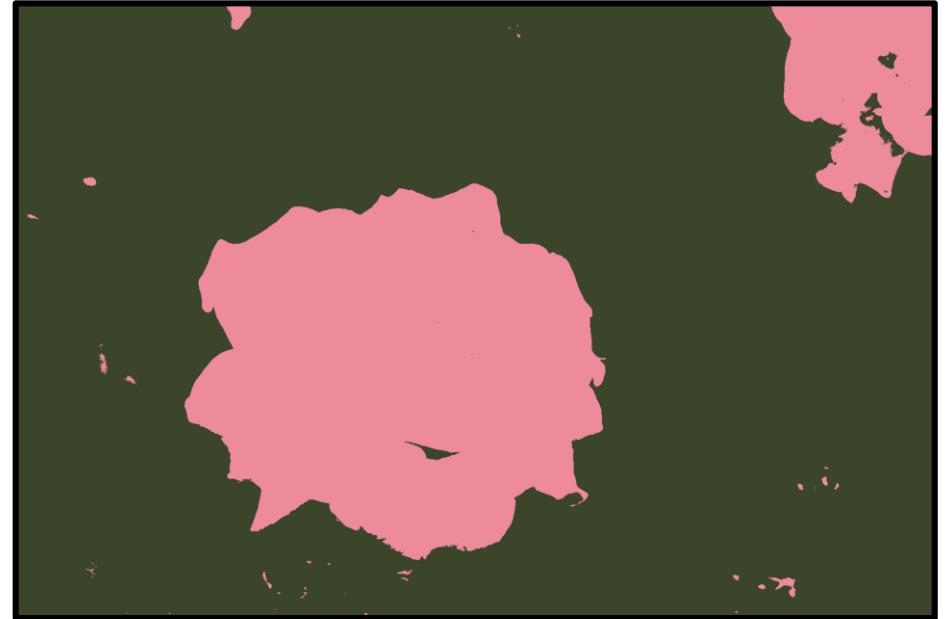
Dependent from initialization \rightarrow



2 – Les Principaux modèles

Clustering on images

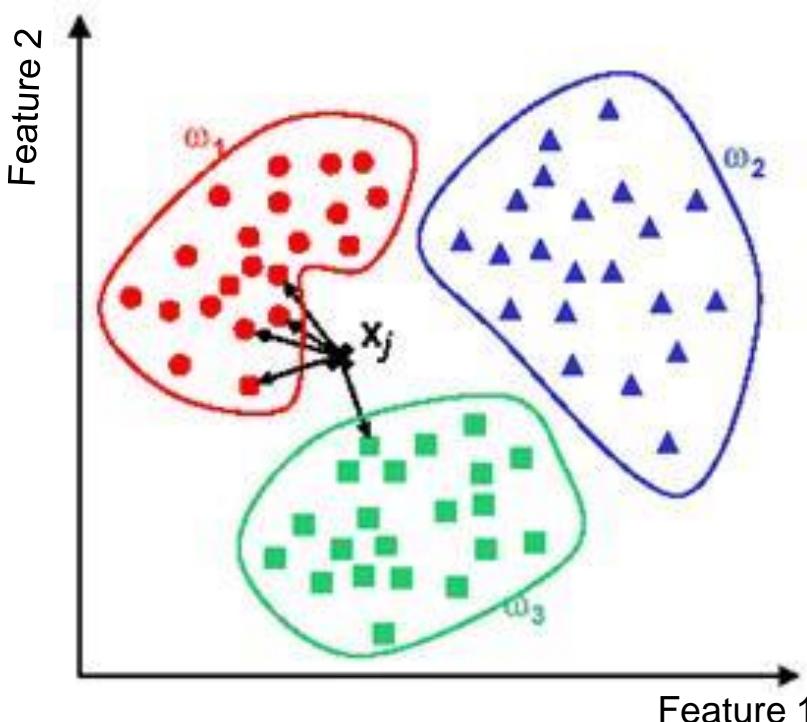
Group together pixels by color, automatic segmentation: k-means, $k = 2$



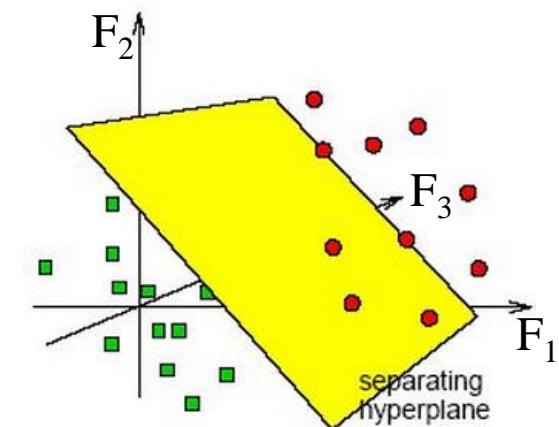
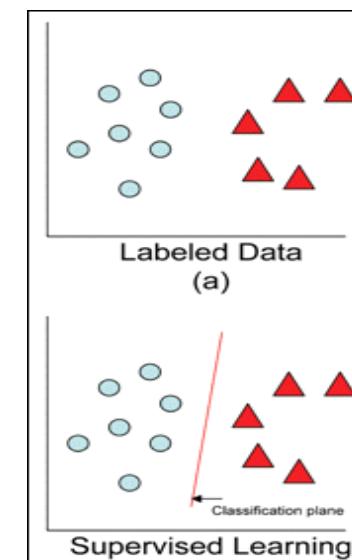
2 – Les Principaux modèles

Supervised classification : k-Nearest-Neighbors (kNN)

- We have a training set with feature vectors tagged with the corresponding classes (w_i)
- The unknown vector X_j is classified with/inside the most represented class among its k nearest neighbors



Or other sophisticate techniques
for classifier definition = ML



2 – Les Principaux modèles

Supervised classification : k-Nearest-Neighbors (kNN)

- We have a training set with feature vectors tagged with the corresponding classes (w_i)
- The unknown vector X_j is classified with/inside the most represented class among its k nearest neighbors

Algorithme 1 : Algorithme implémentant la règle des k-ppv

Données :

- *appbase* : base d'exemples de référence, contenant les valeurs des descripteurs
- *etiquettes* : étiquettes des exemples de la base de référence
- *individu* : exemple à classer
- *k* : nombre de voisins à prendre en compte

Résultat :

- *classe* : étiquette de la classe proposée

début

pour chaque *individu* $I_r \in$ dans *appbase* **faire**

 | $dist[r] \leftarrow$ distance (*individu*, I_{app})

end

 Trier conjointement (*dist*, *etiquettes*) sur la valeur de *dist* croissante

classe \leftarrow étiquette majoritaire dans *etiquettes*[0 : *k*]

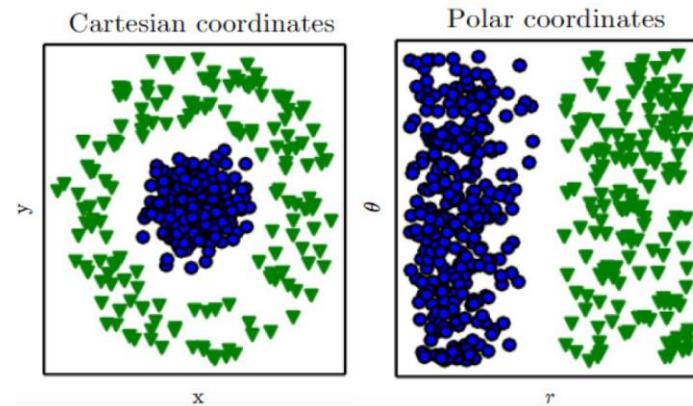
retourner *classe*

end

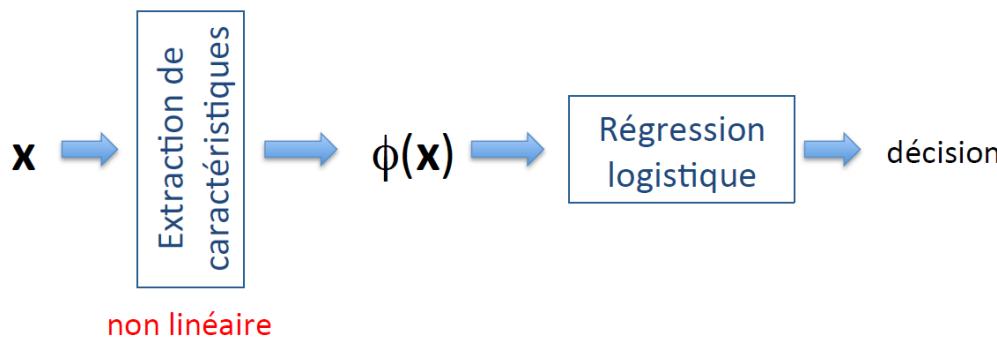
Problème du choix de l'espace de représentation

→ Pour aller plus loin que les modèles linéaires...

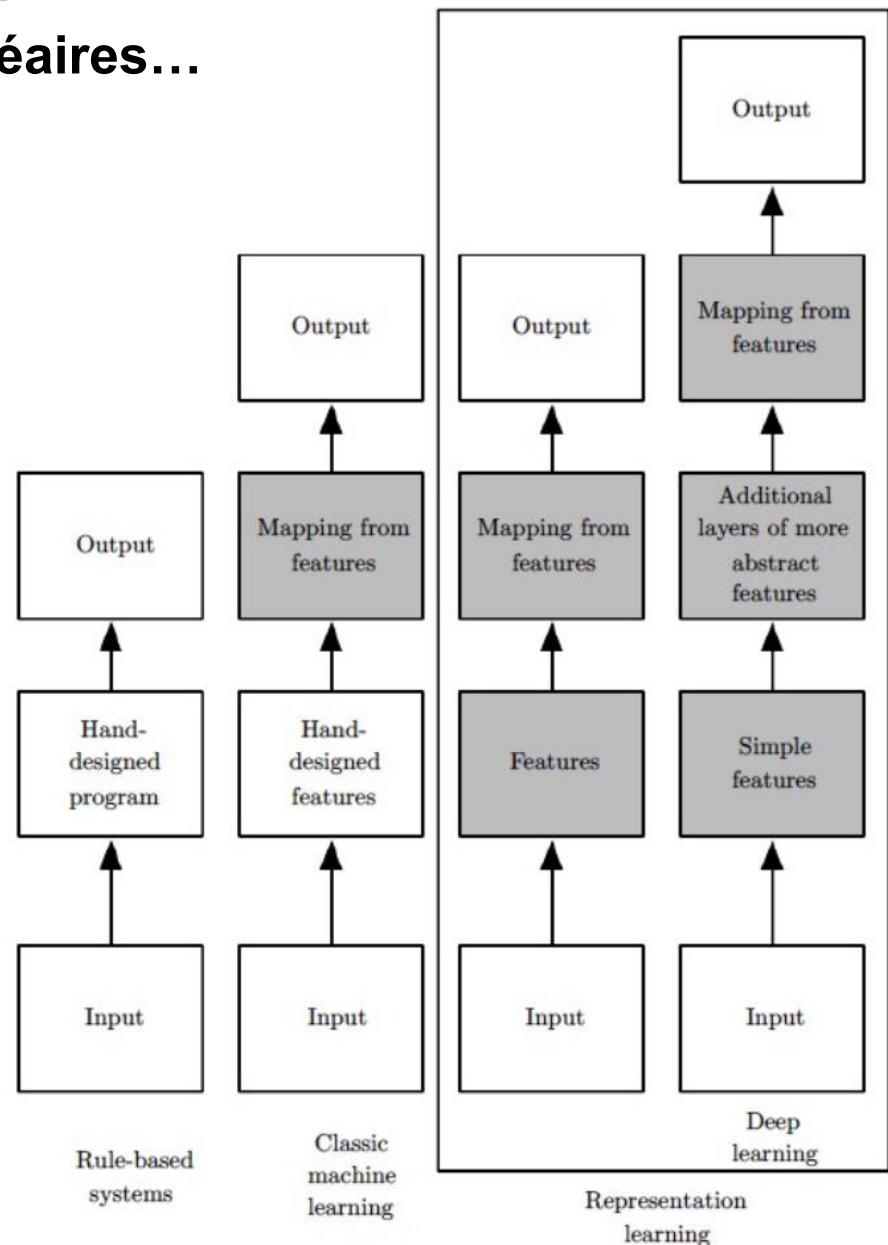
- Changement de representation



- Classifieur linéaire généralisé



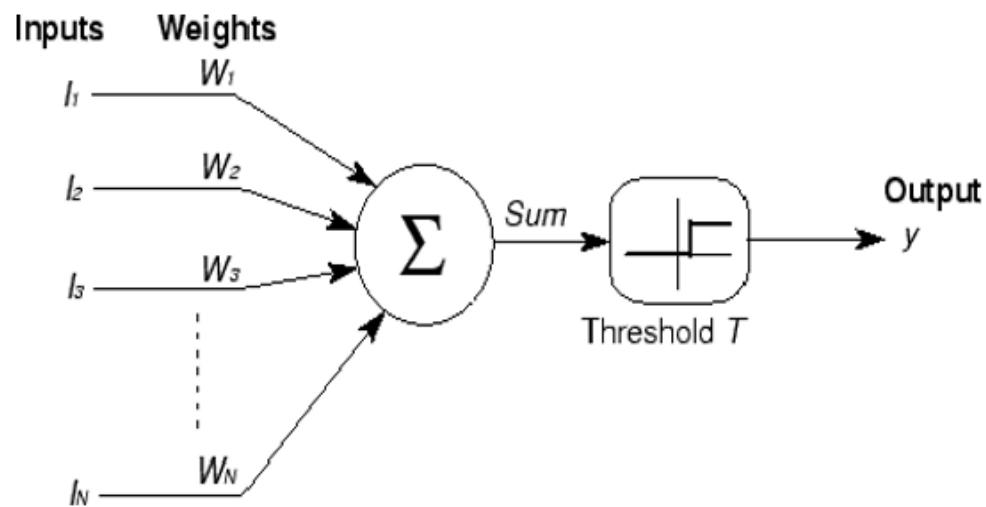
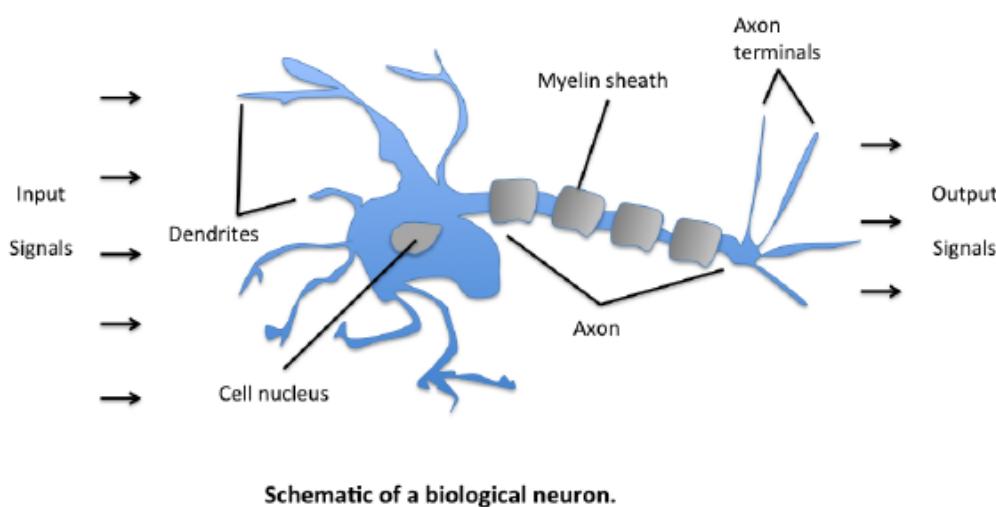
- Architectures plus profondes



Réseaux de neurones

Le modèle de McCulloch et Pitts

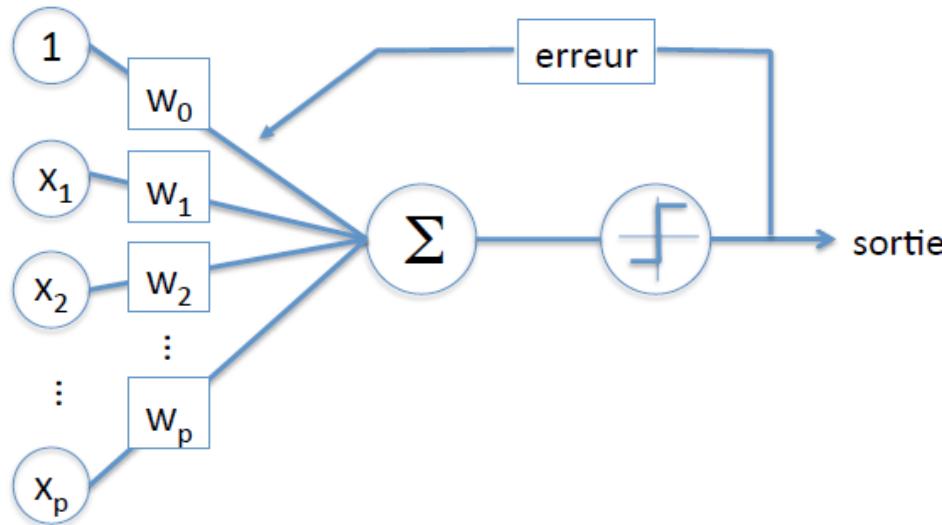
- W. S. McCulloch and W. Pitts. A logical calculus of the ideas immanent in nervous activity. *The Bulletin of Mathematical Biophysics*, 5(4) :115-133, 1943.
- Idée : neurones biologiques vus comme des portes logiques effectuant des opérations de la logique booléenne



Réseaux de neurones

Le Perceptron

- F. Rosenblatt. The perceptron, a perceiving and recognizing automaton (Project PARA). Cornell Aeronautical Laboratory, 1957.
- Idée : une algorithme qui apprend les poids pour résoudre des problèmes de classification binaire.

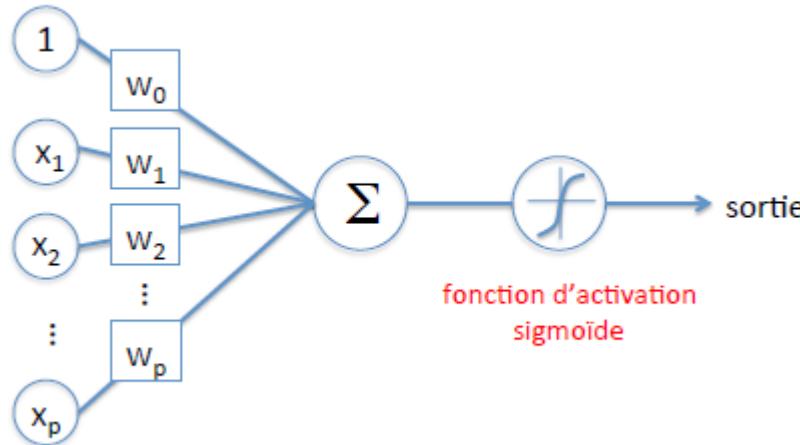


Limites :

- L'algorithme ne converge que si les deux classes sont bien séparées
- Difficilement généralisable à plus de deux classes

Réseaux de neurones

Version moderne du perceptron

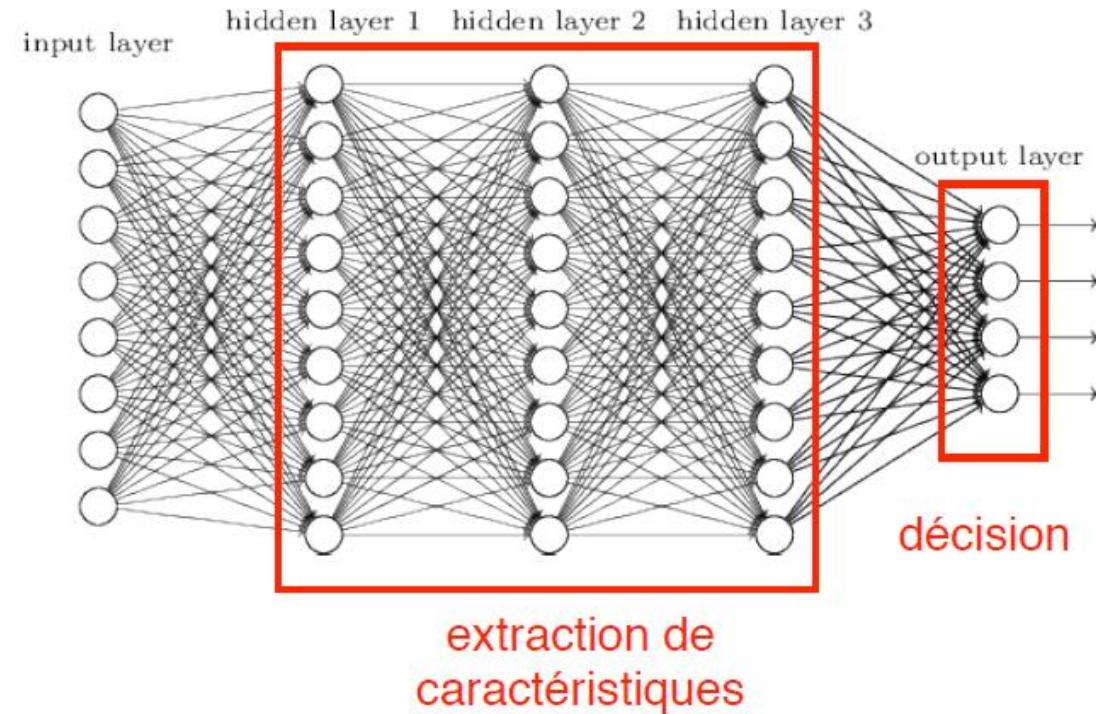
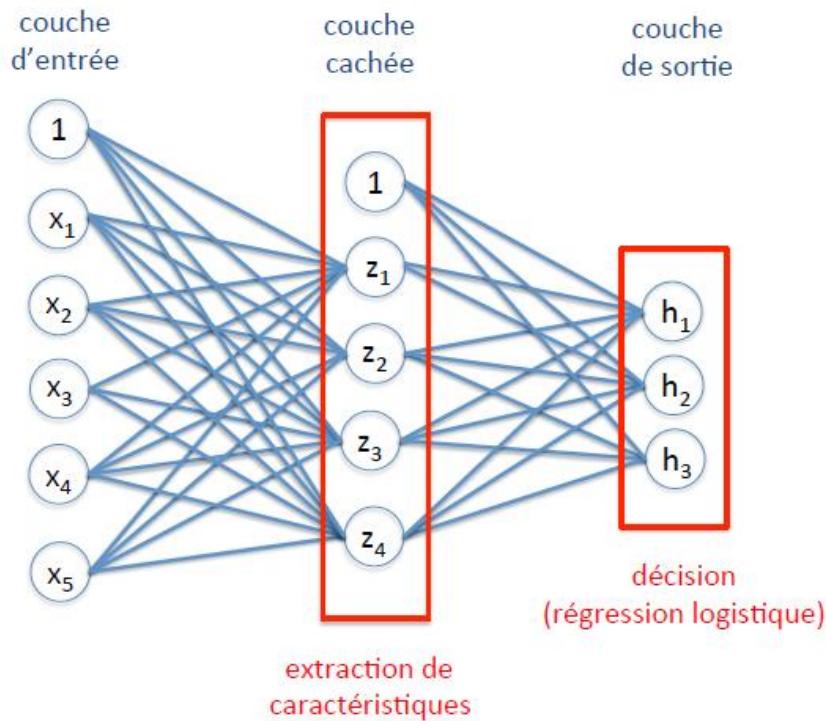


Sortie :
$$g(x) = \frac{1}{1 + \exp [-(w_0 + w_1x_1 + \dots + w_px_p)]}$$

Apprentissage des poids par minimisation de l'entropie croisée
C'est exactement le modèle de la régression logistique !

Réseaux de neurones

Vers les réseaux profonds



Comme pour la régression logistique, l'apprentissage des poids se fait en minimisant une fonction d'erreur telle que l'entropie-croisée.

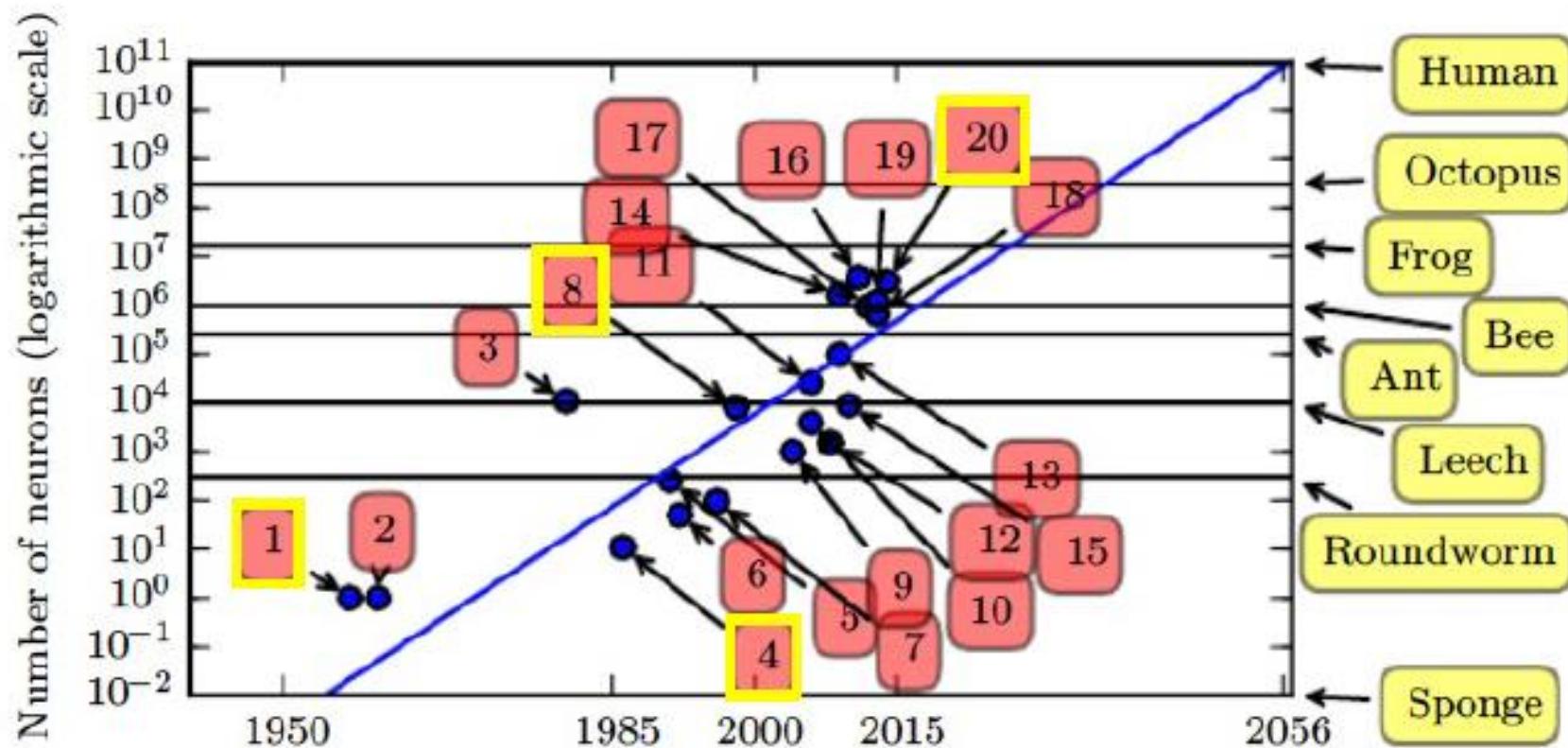
Problèmes: Très grand nombre de variables (poids du réseau) - Fonction d'erreur non-convexe - beaucoup de minima locaux

→ Nécessité de grosses capacités de calcul.

Réseaux de neurones

Vers les réseaux profonds

Depuis leur introduction dans les années 1950, la taille des réseaux de neurones a doublé en moyenne toutes les 2:4 années.

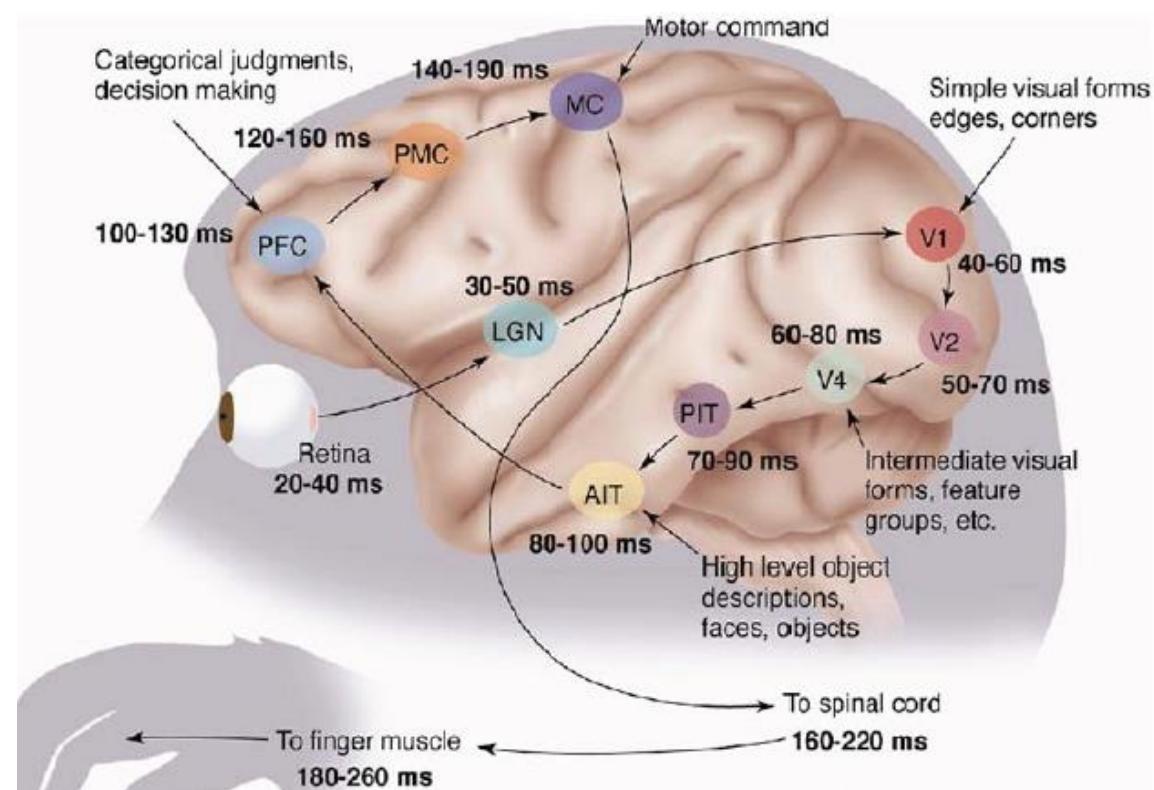
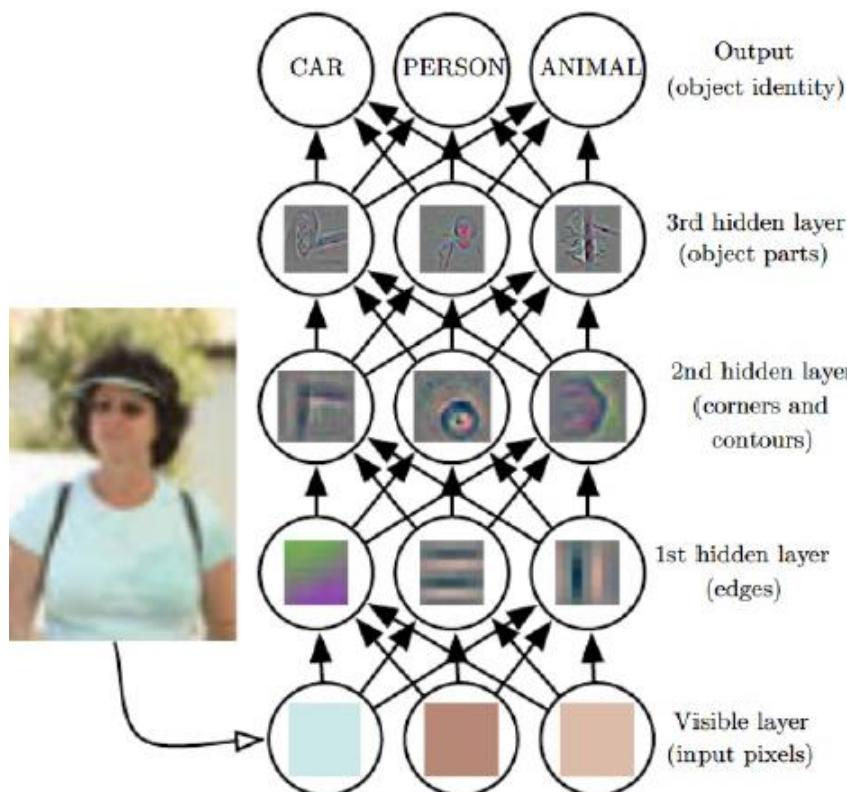


1 : Perceptron ; 4 : Premiers perceptrons multi-couches ; 8 : LeNet-5 (LeCun et al., 1998b) ;
20 : GoogLeNet

Réseaux de neurones

Vers les réseaux profonds

Mais on est très loin de répliquer la complexité du cerveau humain !!!



Bilan

L'IA : un des grands défis scientifiques et technologiques de notre temps

- Questions scientifiques :
 - Intégration de techniques symboliques (raisonnement, gestion des connaissances) et connexionnistes
 - Explication des raisonnements et des décisions
 - Quantification des incertitudes
 - Connaissances a priori en apprentissage (apprendre à partir de peu d'exemples)
 - Etc.
- Questions éthiques (protection de la vie privée, robots autonomes, etc.)
- Questions économiques (automatisation : impacts négatifs et positifs sur l'emploi, transformation de certains secteurs économiques – transports, services, etc.)

ANNEXE

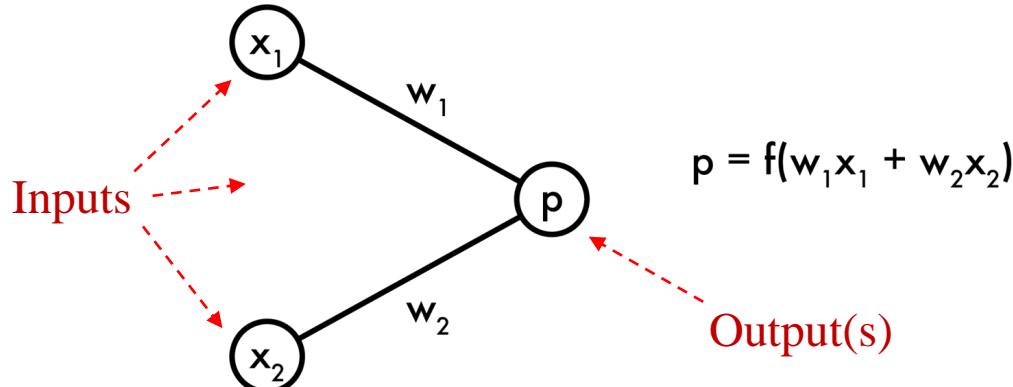
Overcoming the limitation of ML...

What is feature engineering?

- Arguably the **core** problem of machine learning (especially in practice)
- ML work well if there is a clear relationship between the inputs (features representing objects: x_i) and the outputs (p : the function you are trying to model / learn)

Classifier = Linear model

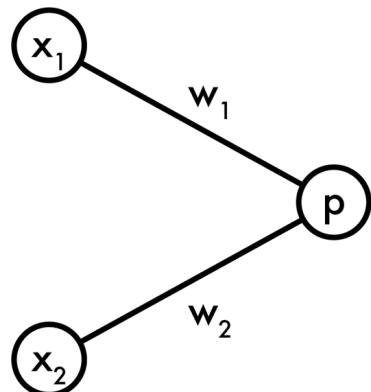
- Compute a probability for each possible class according the selected features
- Linear model means output = linear combination of the inputs
- Learning the weights



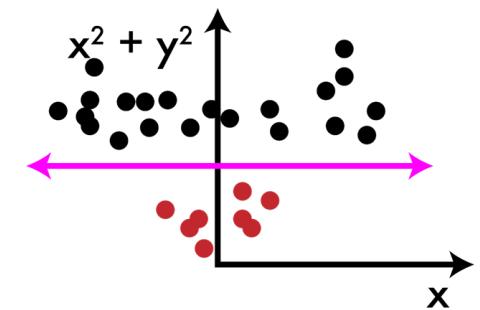
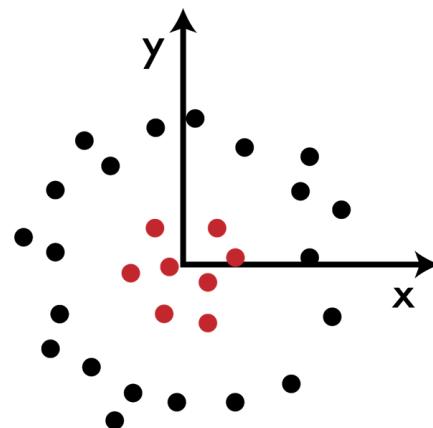
Overcoming the limitation of ML...

What is feature engineering?

- Even with more sophisticated models, generally, feature engineering is just coming up with combinations of the features we already have
- Cannot learn transformations of features, only use existing features. Human must create good features

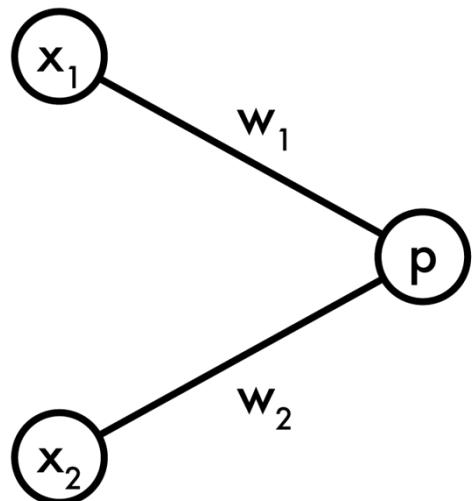


$$p = f(w_1x_1 + w_2x_2)$$



Overcoming the limitation of ML...

What if we added more processing?

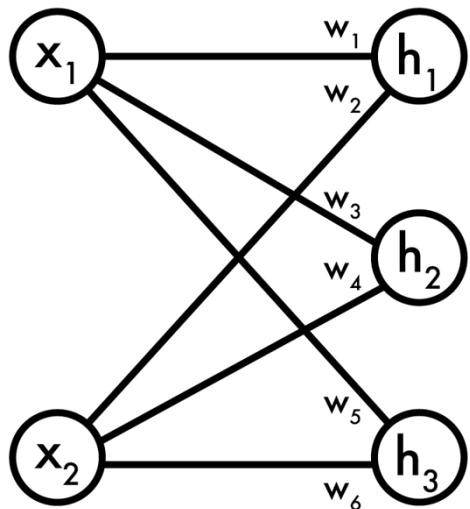


$$p = f(w_1x_1 + w_2x_2)$$

Overcoming the limitation of ML...

What if we added more processing?

Create “new” features using old ones. We’ll call **H** our *hidden layer*



$$h_1 = \varphi(w_1 x_1 + w_2 x_2)$$

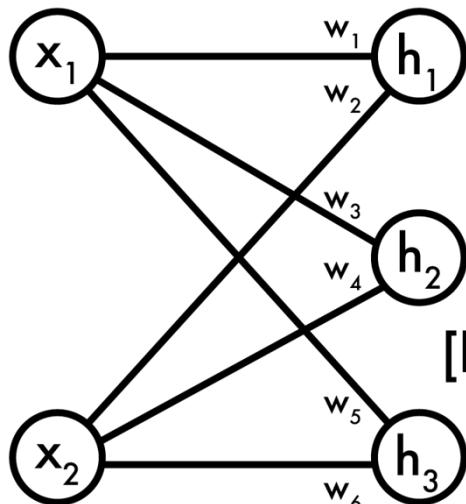
$$h_2 = \varphi(w_3 x_1 + w_4 x_2)$$

$$h_3 = \varphi(w_5 x_1 + w_6 x_2)$$

Overcoming the limitation of ML...

What if we added more processing?

As with linear model, H can be expressed in matrix operations



$$h_1 = \varphi(w_1 x_1 + w_2 x_2)$$

$$h_2 = \varphi(w_3 x_1 + w_4 x_2)$$

$$h_3 = \varphi(w_5 x_1 + w_6 x_2)$$

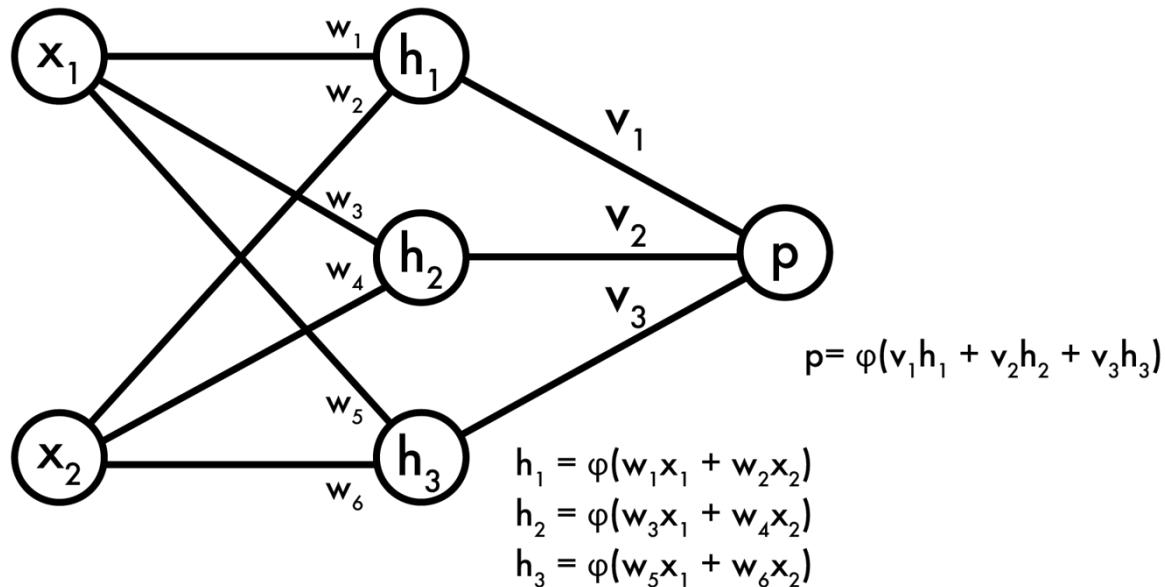
$$[h_1 \ h_2 \ h_3] = \varphi([x_1 \ x_2] \begin{bmatrix} w_1 & w_3 & w_6 \\ w_2 & w_4 & w_5 \end{bmatrix})$$

$$\mathbf{H} = \varphi(\mathbf{X}\mathbf{w})$$

Overcoming the limitation of ML...

What if we added more processing?

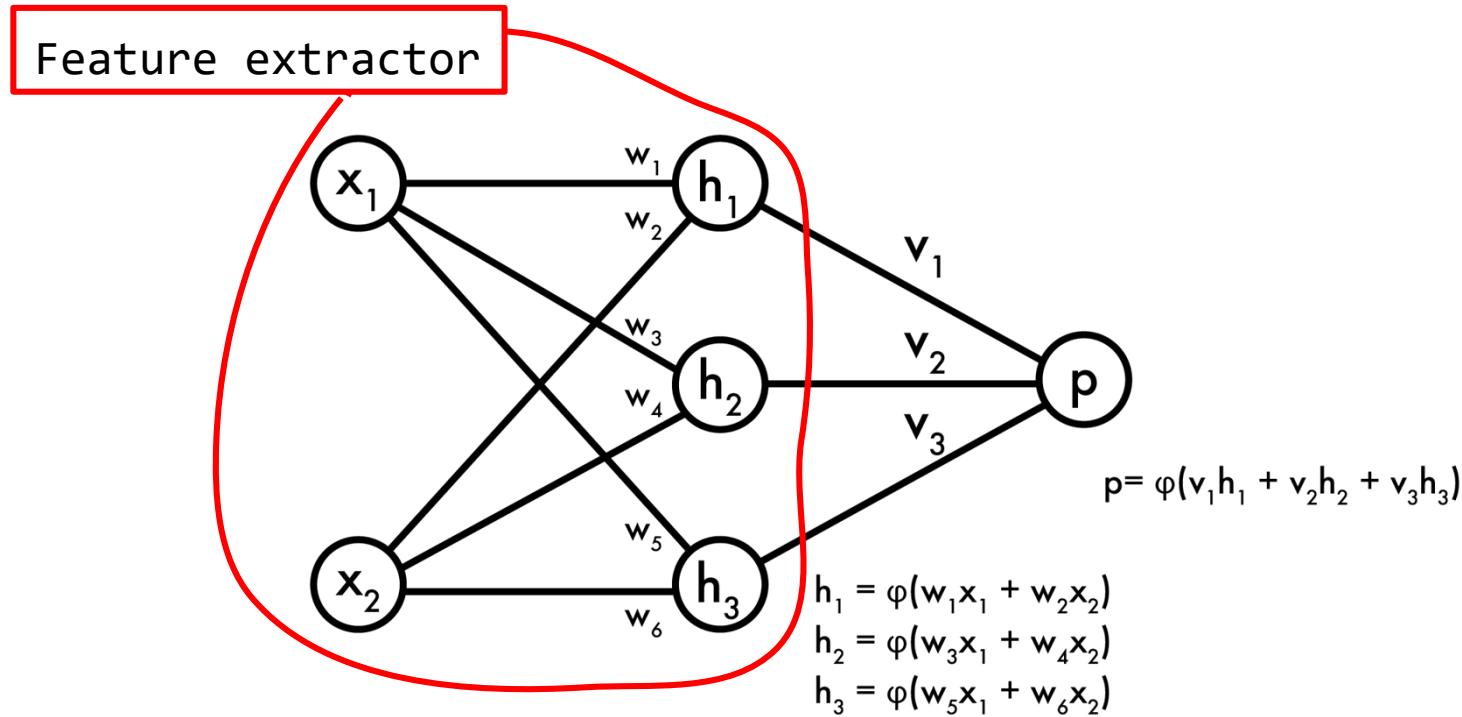
Now our prediction p is a function of our hidden layer



Overcoming the limitation of ML...

What if we added more processing?

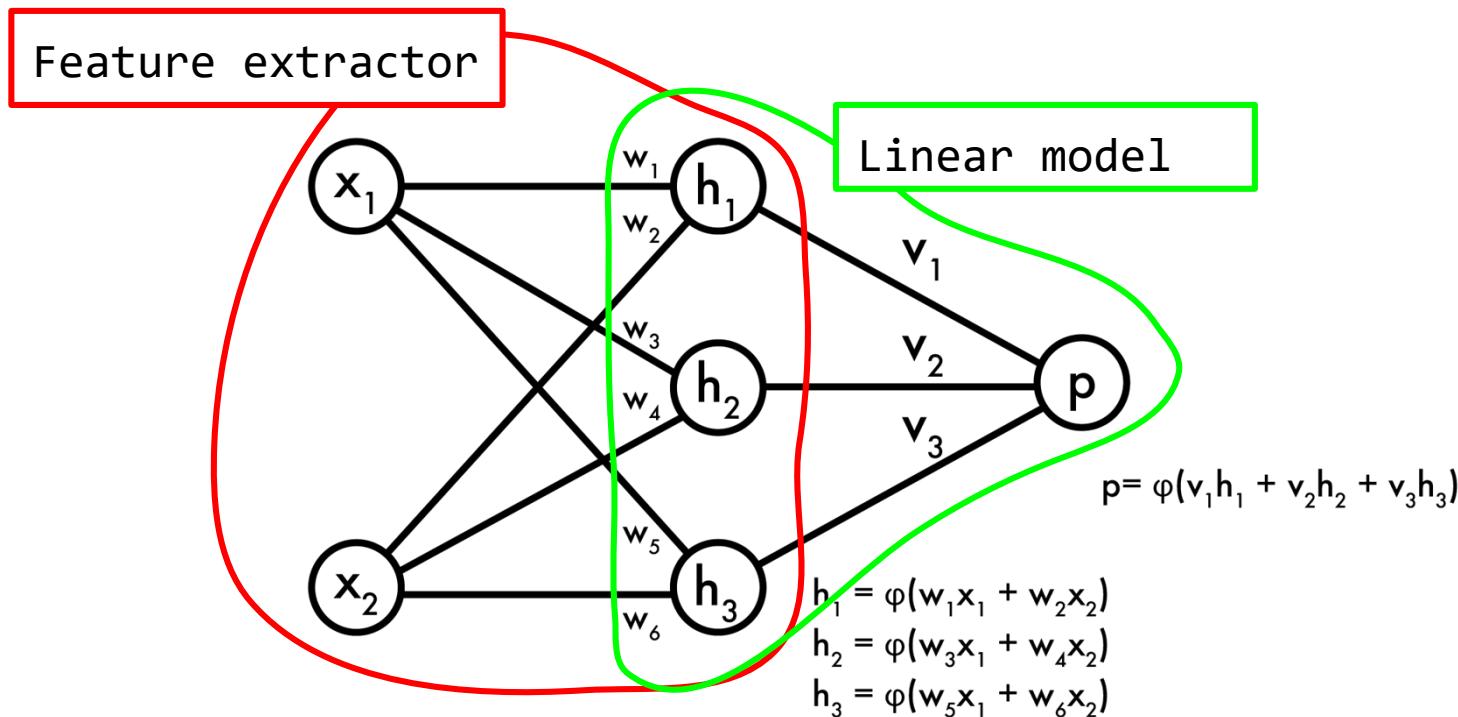
Now our prediction p is a function of our hidden layer



Overcoming the limitation of ML...

What if we added more processing?

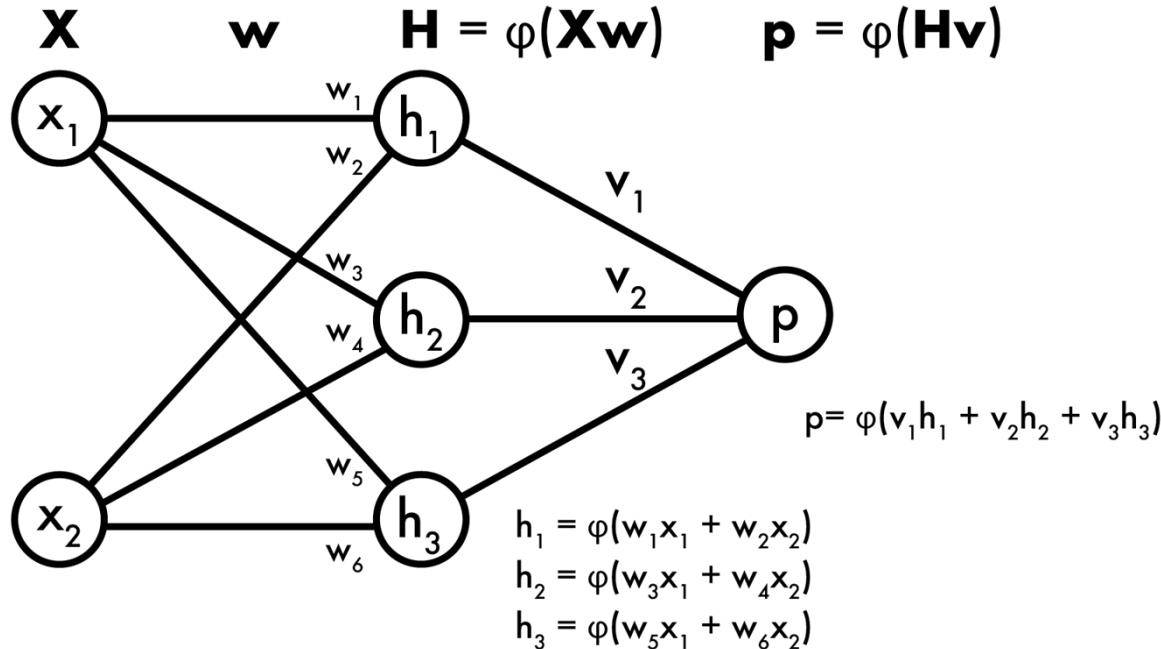
Now our prediction p is a function of our hidden layer



Overcoming the limitation of ML...

What if we added more processing?

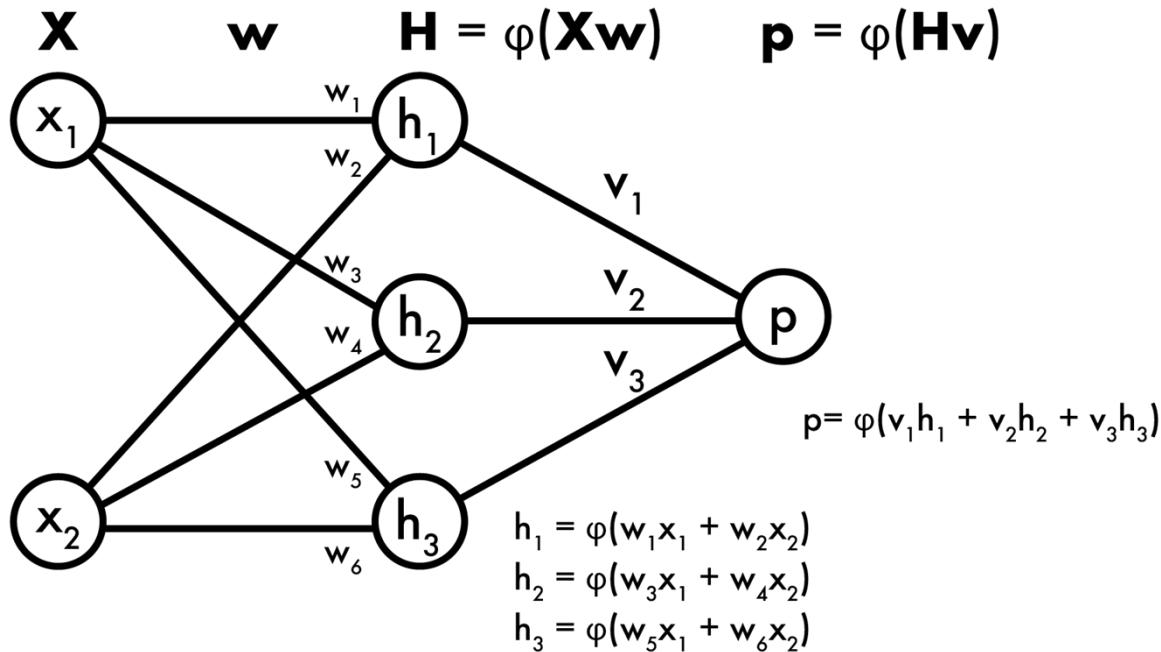
Can still express the whole process in matrix notation! Nice because matrix ops are fast



Overcoming the limitation of ML...

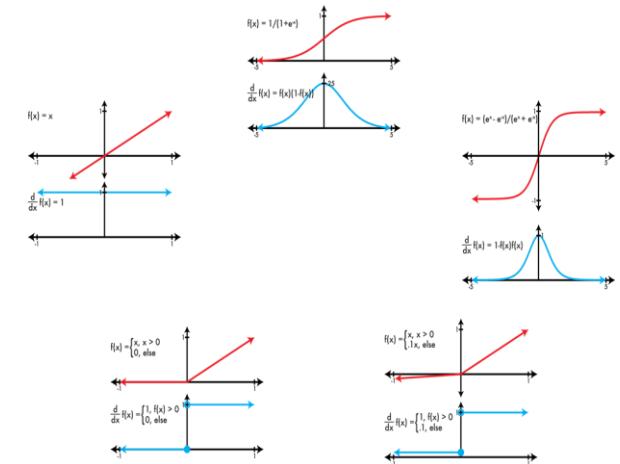
This is a neural network! (the starting point of Deep Learning)

- This one has 1 hidden layer, but can have **way** more
- Each layer is just **some functions φ** applied to linear combination of the previous layer



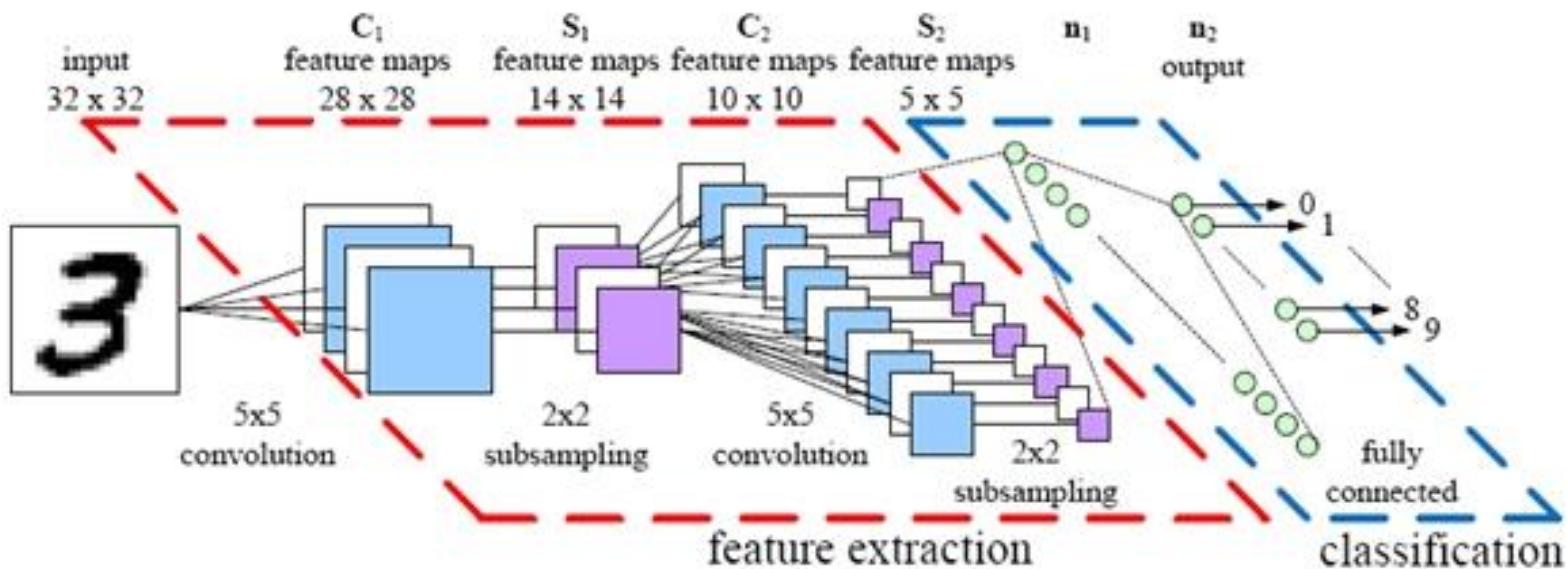
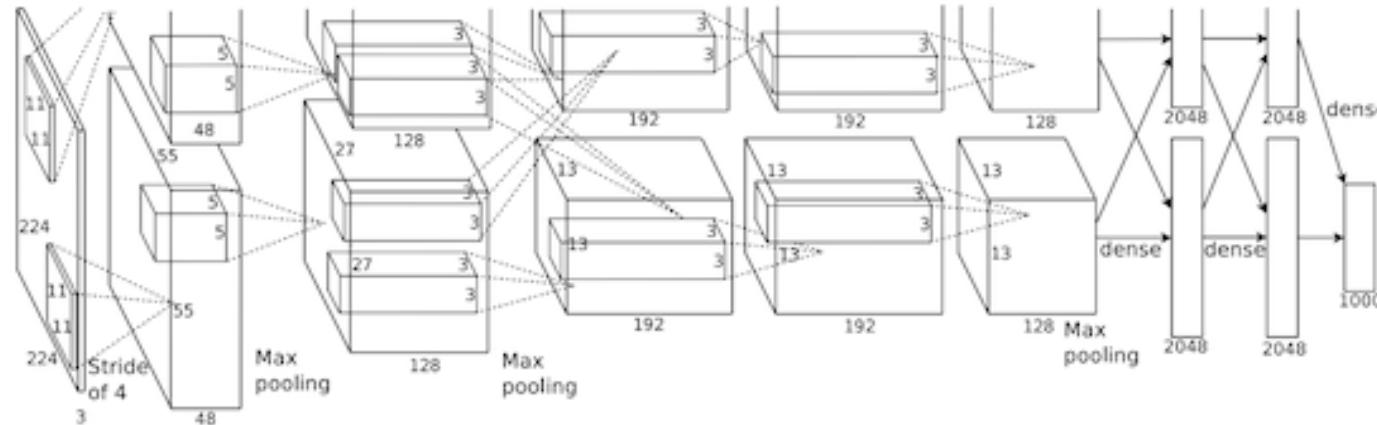
What about activation functions φ ?

- So many possible options
- want them to be easy to take derivative



First idea of Deep Learning...

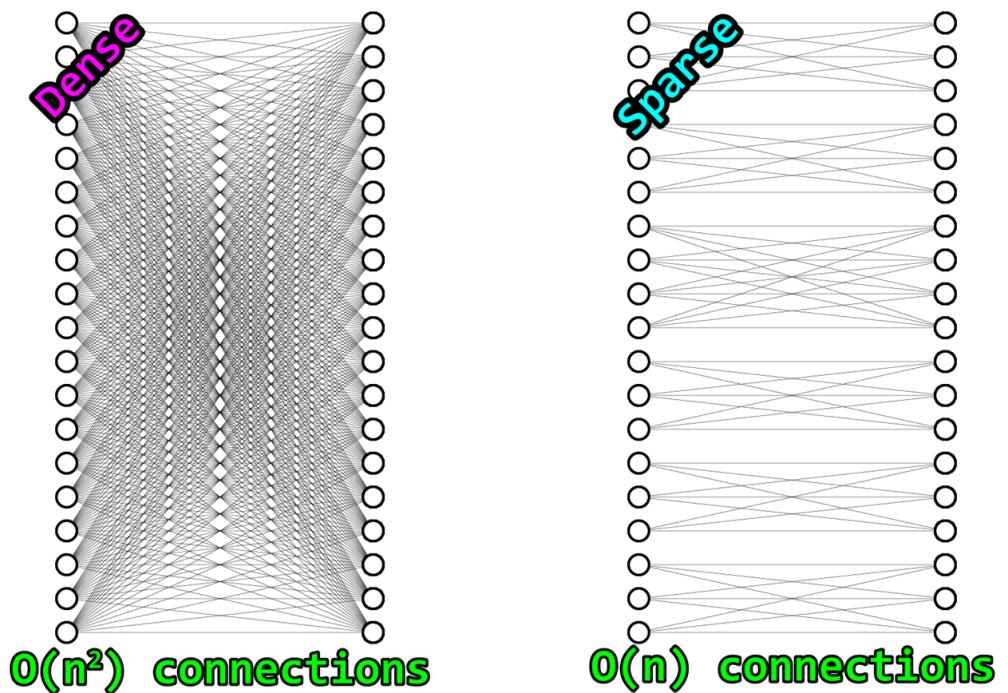
Deep Learning (Convolutional Neural Networks - CNN)



First idea of Deep Learning...

Too many weights!

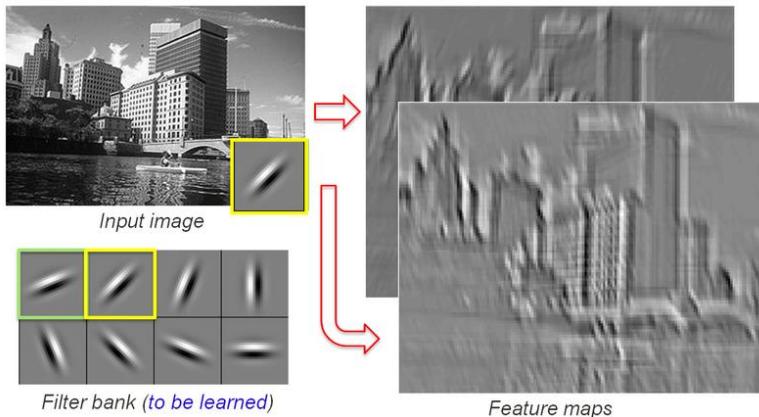
- Would rather have sparse connections
 - Fewer weights
 - Nearby regions - related
 - Far apart - not related
- Convolutions!
 - Just weighted sums of small areas in image
- Weight sharing in different locations in image



First idea of Deep Learning...

Convolutional Layer

- **Input:** an image
Processing: convolution with multiple filters
Output: an image, # channels = # filters
- Output still weighted sum of input (w/ activation)



Input Volume (+pad 1) (7x7x3)	Filter W0 (3x3x3)	Filter W1 (3x3x3)	Output Volume (3x3x2)
$x[:, :, 0]$ 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 1 0 2 0 0 1 0 2 0 1 0 0 1 0 2 2 0 0 0 2 0 0 2 0 0 0 2 1 2 2 0 0 0 0 0 0 0 0 0	$w0[:, :, 0]$ -1 0 1 0 0 1 1 -1 1 -1 0 1 1 -1 1 0 1 0 -1 1 1 1 1 0 0 -1 0 1 0 0	$w1[:, :, 0]$ 0 1 -1 0 -1 0 0 -1 1 -1 0 0 1 -1 0 1 -1 0 -1 1 -1 0 -1 -1 1 0 0	$o[:, :, 0]$ 2 3 3 3 7 3 8 10 -3 $o[:, :, 1]$ -8 -8 -3 -3 1 0 -3 -8 -5
$x[:, :, 1]$ 0 0 0 0 0 0 0 0 2 1 2 1 1 0 0 2 1 2 0 1 0 0 0 2 1 0 1 0 0 1 2 2 2 2 0 0 0 1 2 0 1 0 0 0 0 0 0 0 0	$w0[:, :, 1]$ -1 1 1 1 1 0 0 -1 0 -1 1 1 1 1 0 0 -1 0 -1 1 -1 0 -1 -1 1 0 0	$w1[:, :, 1]$ -1 0 0 1 -1 0 1 -1 0 -1 1 -1 0 -1 -1 1 0 0	$b1[:, :, 0]$ 0
$x[:, :, 2]$ 0 0 0 0 0 0 0 0 2 1 1 1 2 0 0 1 0 0 1 0 0 0 0 1 0 0 0 0 0 1 0 2 1 0 0 0 2 2 1 1 1 0 0 0 0 0 0 0 0	$b0[:, :, 0]$ 1		

toggle movement

Example of a Conv layer with $K = 2$ filters, each with a spatial extent $F = 3$, moving at a stride $S = 2$, and input padding $P = 1$

First idea of Deep Learning...

Padding

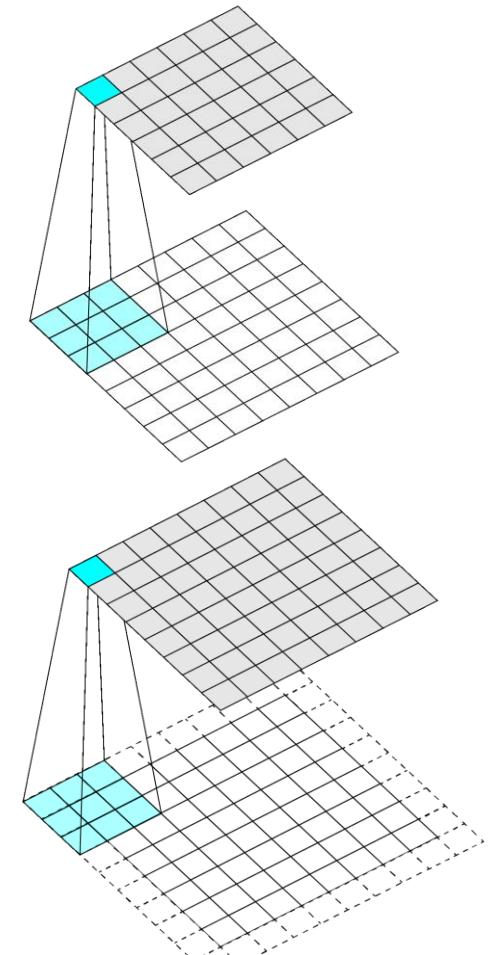
- Convolutions have problems on edges
- Do nothing: output a little smaller than input
- Pad: add extra pixels on edge

Stride

- How far to move filter between applications
- We've done stride 1 convolutions up until now, approximately preserves image size
- Could move filter further, downsample image

ReLU Layer

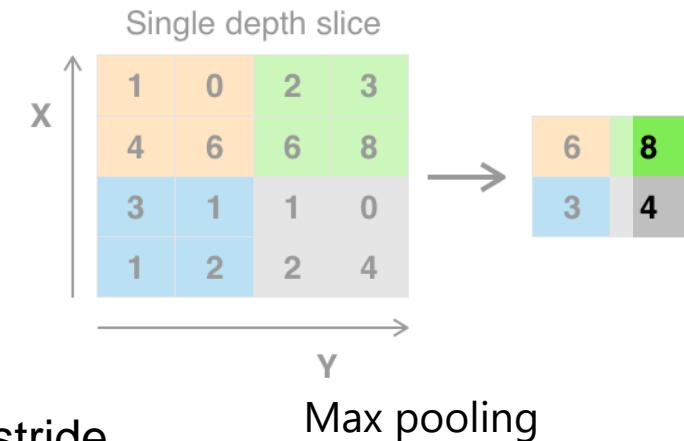
- Applies an elementwise activation function $\max(0, x)$
→ turns negative values to zeros



First idea of Deep Learning...

Pooling Layer

- **Input:** an image
- **Processing:** pool pixel values over region
- **Output:** an image, shrunk by a factor of the stride
- Hyperparameters:
 - What kind of pooling? Average, mean, max, min
 - How big of stride? Controls downsampling
 - How big of region? Usually not much bigger than stride
- Most common: 2x2 or 3x3 maxpooling, stride of 2



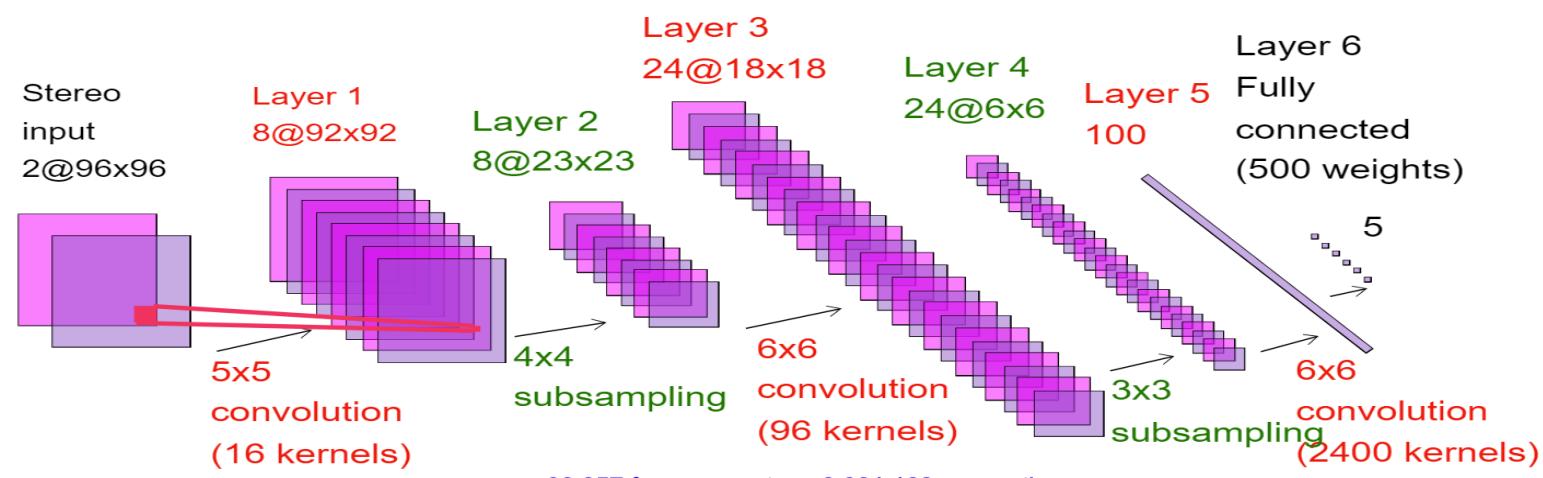
Fully Connected Layer

- The standard neural network layer where every input neuron connects to every output neuron
- Often used to go from image feature map -> final output or map image features to a single vector
- Eliminates spatial information

First idea of Deep Learning...

Example of Convnet Building Blocks

- Convolutional layers:
 - Connections are convolutions
 - Used to extract features
- Pooling layers:
 - Used to downsample feature maps, make processing more efficient
 - Most common: maxpool, avgpool sometimes used at end
- Connected layers:
 - Often used as last layer, to map image features → prediction
 - No spatial information
 - lots of weights, no weight sharing → Inefficient ?

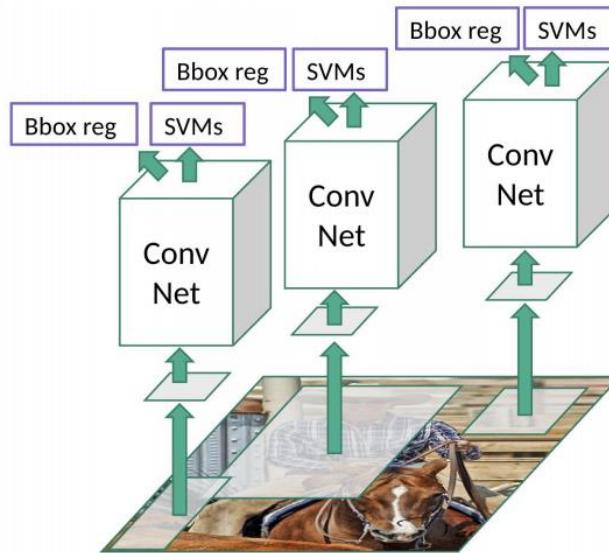


First idea of Deep Learning...

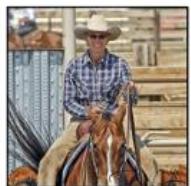
So many architectures & hyperparameters....

→ Architecture engineering replaces Feature engineering

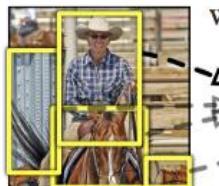
- CONVnet, R-CNN, Fast R-CNN, Faster R-CNN, YOLO



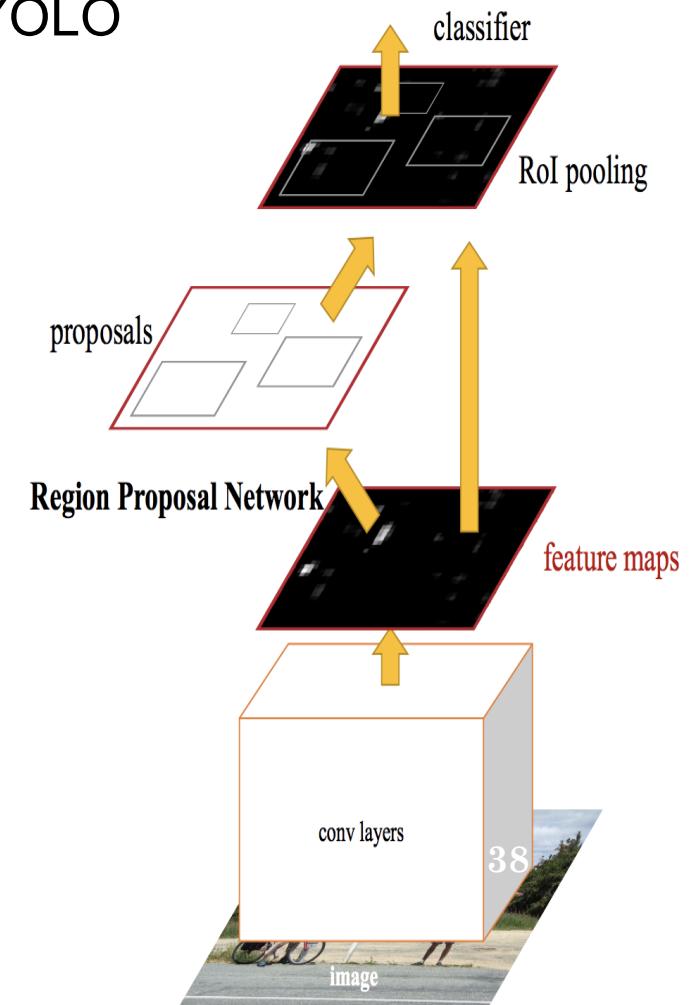
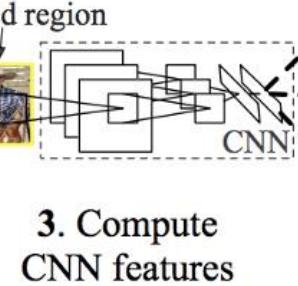
R-CNN: *Regions with CNN features*



1. Input image



2. Extract region proposals (~2k)



That All for today...

MERCI...

Support de cours :

- TP : http://www.rfai.lifat.univ-tours.fr/PagesPerso/jyramel/PDF/TP2cesr_eleves.ipynb
- Slides : <http://www.rfai.lifat.univ-tours.fr/PagesPerso/jyramel/PDF/HNcesr ADML2019part2.pdf>